

Identifican genes que elevan el riesgo de osteoporosis

Londres (EFE).- Científicos del Reino Unido y Gran Bretaña han identificado dos variantes genéticas de proteínas biológicas que elevan el riesgo de osteoporosis y las consiguientes fracturas, según señala un estudio.

Dado que esas variantes están presentes en más de una de cada cinco mujeres de la muestra de población estudiado, sería muy útil llevar a cabo exámenes para su eventual detección. Científicos del Departamento de Epidemiología Genética, del King's College, de Londres, del Wellcome Trust Sanger Institute (Reino Unido) y de Rotterdam examinaron a 2.094 mellizas e identificaron en sus genes los polimorfismos nucleótidos singulares (SNP) con más probabilidades de aumentar el riesgo de osteoporosis, partiendo de un total de

314.075 posibilidades.

Para confirmar los resultados obtenidos, los expertos estudiaron esos polimorfismos nucleótidos en 6.463 personas que participaron en otros tres estudios en Europa Occidental y llegaron a la conclusión de que hay una relación entre la densidad mineral ósea y dos SNP, contenidos en los cromosomas 8 y 11.

En el cromosoma 11, el SNP se ubicaba en el gen LRP5 (proteína relacionada a receptor de lipoproteína), y una variante del mismo estaba asociada con una menor densidad mineral ósea, un incremento del treinta por ciento de la osteoporosis y las fracturas por esa causa. En el cromosoma 8, el SNP estaba próximo al gen Tnfrsf11b (osteoprotegerin), y una variante del mismo se demostró que disminuía

la densidad mineral ósea y aumentaba en un veinte por ciento el riesgo de osteoporosis.

En el veintidós por ciento de las personas portadoras de ambas variantes de riesgo, el peligro de sufrir facturas osteoporóticas se incrementaba en un treinta por ciento con independencia de la densidad ósea mineral.

Dado que ambos factores de riesgo pueden medirse con enorme precisión antes de que la persona llegue a la edad en que suelen producirse esas fracturas, hay tiempo suficiente para tomar medidas preventivas, señalan los autores del trabajo. Entre los autores del estudio se cita al profesor Tim Spector y al doctor Brent Richards, ambos del Departamento de Investigaciones sobre Mellizos y Epidemiología Genética del King's College londinense.